

اشرشیاکلی: پر کاربردترین میزبان تولید پروتئین های نو ترکیب

ناهید بختیاری^{۱*}، محسن واعظ^۱

۱- استادیار، پژوهشکده زیست فناوری، سازمان پژوهش های علمی و صنعتی ایران، تهران، ایران

*صندوق پستی ۱۱۱-۳۳۵۳۵، تهران، ایران
nbakhtiari@irost.org

پذیرش: ۱۴۰۲/۱۲/۲۶

دریافت: ۱۴۰۱/۰۶/۰۱

چکیده

باکتری اشرشیاکلی یکی از مهمترین میزبان های مورد استفاده برای تولید پروتئین نو ترکیب می باشد. به عنوان مثال، بیشتر پروتئین های دارویی که توسط سازمان غذا و داروی آمریکا جهت مصرف مورد تایید قرار گرفته اند در اشرشیاکلی تولید شده اند. یکی از مزیت هایی که این موجود را به یک کارخانه مناسب جهت تولید پروتئین های نو ترکیب تبدیل کرده، شناخت کامل ماهیت زیستی آن می باشد. این امر سبب شده است که در سال های اخیر امکان ایجاد تغییرات جهت دار برای مبدل ساختن این کارخانه کوچک به سامانه ای هوشمند برای ساخت آسان تر انواع پروتئین های نو ترکیب با ویژگی های گوناگون فراهم شود. به طوری که هم اکنون سویه های مهندسی شده ی مختلف و بسیار پر کاربردی برای تولید مقدار بالا و پایدار پروتئین های مورد نظر از سویه های والد و وحشی به دست آمده است که در آزمایشگاه و صنعت قابل استفاده می باشد. در این مقاله مروری به معرفی تعدادی از پر کاربردترین این سویه ها پرداخته می شود.

کلید واژگان: اشرشیاکلی، پروتئین نو ترکیب، میزبان

۱-مقدمه

پروتئین‌ها به دلیل نقش ساختاری و عملکردی خود در سلول، از ماکرومولکول‌های دارای اهمیت ویژه به حساب می‌آیند. به علاوه، برای انجام مطالعات جامع مربوط به شناسایی ساختار، اندرکنش‌ها و عملکرد^۱ پروتئین‌ها و کاربرد آنها در صنایع مختلف دارویی و زیست‌فناوری به مقادیر کافی از پروتئین مورد نظر نیاز است. دستیابی به این هدف به دو صورت امکان‌پذیر است. اول این که پروتئین مورد نظر را از منبع اصلی آن جدا سازی کنیم که معمولاً در این روش مقادیر کافی از آن پروتئین قابل دستیابی نخواهد بود. راه دوم و به صرفه تر، بیان بالای^۲ پروتئین مورد نظر به صورت نو ترکیب در سیستم‌های بیانی موجود می‌باشد. به علاوه، با توجه به این که در حال حاضر بسیاری از پروتئین‌های مورد استفاده در صنایع دارویی و زیست‌فناوری انواع دست ورزی شده از پروتئین اصلی هستند، استخراج آنها از منبع اصلی امکان‌پذیر نیست [۱].

در میان میزبان‌های مختلفی که برای تولید پروتئین نو ترکیب موجود هستند باکتری /شرشیاکلی به دلیل مزایای خاصی که دارد اغلب اوقات انتخاب اول است و با این که برخی محدودیت‌ها در استفاده از این میزبان برای تولید انواع خاصی از پروتئین‌ها وجود دارد؛ مزایای غیرقابل انکار آن از جمله تولید بالای محصول، ارزان بودن و سادگی انجام دست‌ورزی این سیستم بیانی سبب ایجاد سویه‌ها و پلاسمیدهای متنوع مهندسی شده برای کاربرد های مختلف در طول تاریخ تولید پروتئین‌های نو ترکیب شده است [۱]. در واقع، پس از کشف باکتری /شرشیاکلی توسط تئودور اشریچ میکروبیولوژیست و پزشک متخصص اطفال آلمانی در سال ۱۸۸۴، امروزه سویه 1917 *E. coli* Nissle اغلب به عنوان یک سویه مرجع یا میکروارگانیسم مدل در مطالعات زیست پزشکی تجربی، از جمله دستکاری‌های نو ترکیب سویه به منظور

ساخت مشتقاتی از سویه‌هایی با ویژگی‌های جدید استفاده می‌شود [۳،۲].

در این مقاله، به معرفی سویه‌های بیانی مختلف /شرشیاکلی پرداخته و کاربرد هر یک از آنها را به تفصیل بیان خواهیم کرد.

۲- مر سوم‌ترین سویه‌های بیانی / شرشیاکلی: انواع و کاربردها

گونه‌هایی از باکتری /شرشیاکلی که در حال حاضر در تولید پروتئین‌های نو ترکیب مورد استفاده قرار می‌گیرند از دو سویه اصلی B و K-12 مشتق می‌شوند. علیرغم نزدیکی این دو گونه، تفاوت‌های مشخصی در تولید پروتئین نو ترکیب بین آنها دیده می‌شود [۴].

در سال ۲۰۱۲ مطالعات جامع و مقایسه‌های کاملی توسط سونگ هو یون و همکارانش در سطح ژنوم تا پروتئوم و به دنبال آن انجام شبیه‌سازی رایانه‌ای برای شناخت متابولومیکس این دو گونه صورت گرفت. این مطالعات نشان داد که، دلایل مختلفی برای این اختلاف وجود دارد. از جمله این دلایل می‌توان به قابلیت بیشتر سویه B در انجام فرایندهای ساخت اسیدهای آمینه و وجود آنزیم‌های پروتئازی کمتر که سبب حفظ پروتئین‌های ساخته شده به صورت نو ترکیب از اثر هیدرولیتیک آنها می‌شود، اشاره نمود. به علاوه، عدم وجود فلاژل در باکتری / شرشیاکلی سویه B و احتمال کمتر خروج پلاسمید حاوی ژن نو ترکیب نیز می‌تواند دلیل ایجاد این اختلاف شود. از طرفی، سویه B دارای یک سیستم ترشحی نوع دو اضافی نسبت به سویه K بوده و ساختار غشا و دیواره آن برای ترشح راحت تر پروتئین نو ترکیب بیان شده مناسب‌تر است. در مقابل، در سویه K ژن‌های مربوط به شوک حرارتی بیان بیشتری نسبت به سویه B داشته و این موضوع آن را نسبت به برخی شرایط استرس‌زای محیطی مقاوم‌تر کرده است [۵].

² Over-expression

¹ Proteomics

اشرشیاکلی: پرکاربردترین میزبان ... _____ بختیاری و همکاران

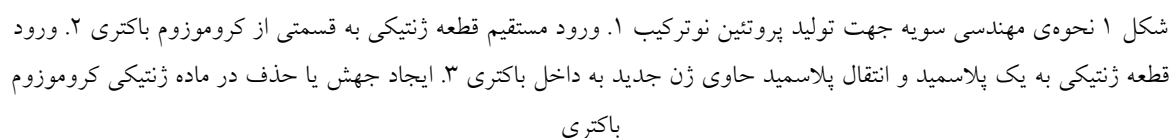
پرکاربردترین سویه‌های مشتق از اشرشیاکلی K-12 شامل HMS174, MG1655, RV308, DH1, W3110, DH5 α و JM109 هستند [۶-۸]؛ ولی در مورد اشرشیاکلی B سویه‌های مهندسی شده بیشتری وجود دارد که هریک به منظور خاصی مورد دست‌ورزی قرار گرفته و اطلاعات آن به صورت خلاصه در جدول ۱ جمع‌آوری شده است.

گونه‌هایی که از این دو سویه مشتق شده‌اند، در واقع نتیجه‌ی ایجاد جهش‌های متفاوت مشخصی هستند. به عبارت دیگر، با اعمال تغییرات ژنی هدف‌دار یا تصادفی در ژنوم اولیه باکتری‌های اشرشیاکلی B و K و سپس غربالگری گونه‌های جدید ایجاد شده، به انواع کاربردی‌تری از این باکتری‌ها در حوزه‌ی تولید پروتئین نو ترکیب دست یافته شده است [۱].

جدول ۱ سویه‌های اشرشیاکلی B ی مهندسی شده‌ی موجود جهت بیان پروتئین نو ترکیب

نام سویه	دست‌ورزی انجام شده	کاربرد
BL21(DE3)	وارد کردن ژن RNA پلی‌مراز باکتریوفاژ T7 در کروموزوم باکتری اشرشیاکلی	بیان بالای پروتئین نو ترکیب به علت قوی بودن پروموتور RNA پلی‌مراز T7
BL21 (DE3) pLysS	ایجاد مقادیر کم لیزوزیم T7 برای کاهش RNA پلی‌مراز T7 توسط پلاسمید pLysS	بیان پروتئین‌های نو ترکیب دارای سمیت برای میزبان
C41(DE3)	ایجاد جهش‌های تصادفی در ژن <i>lacI</i> در باکتری اشرشیاکلی BL21(DE3) که سبب کاهش بیان RNA پلی‌مراز T7 شده	بیان پروتئین‌های نو ترکیب دارای سمیت برای میزبان
C43(DE3)	ایجاد جهش‌های تصادفی در ژن <i>lacI</i> در باکتری اشرشیاکلی BL21(DE3) که سبب کاهش بیان RNA پلی‌مراز T7 شده	بیان پروتئین‌های نو ترکیب دارای سمیت برای میزبان
Mutant56(DE3)	تغییر در در یکی از اسیدهای آمینه ژن RNA پلی‌مراز T7	کاهش اتصال آنزیم RNA پلی‌مراز به پروموتور T7 و کاهش بیان پروتئین نو ترکیب دارای سمیت برای میزبان
RiboTite	قرار دادن توالی ریبونوکلوئیک اسیدی تنظیم شونده در بخش غیر ترجمه شونده انتهای 5' ژن RNA پلی‌مراز T7 و بالادست ژن نو ترکیب هدف	کنترل بیان پروتئین هدف به منظور افزایش ترشح آن در فضای پری‌پلاسمی میزبان
BL21(DE3::ara)	جایگزینی پروموتور PlacUV5 در سویه‌ی BL21(DE3) با پروموتور آرابینوز (<i>ParaBAD</i>)	افزایش زیست‌توده و مقدار پروتئین نو ترکیب بیان شده
Lemo21 (DE3)	ژن <i>lysY</i> که مسئول تولید لیزوزیم T7 می‌باشد تحت کنترل یک پروموتور قابل تنظیم به نام <i>rhaPBAD</i> قرار گرفته است.	بیان کنترل شده‌ی پروتئین‌های نو ترکیب دارای سمیت برای میزبان
BL21-AI	تنظیم ثانویه القای بیان با IPTG به وسیله‌ی پروموتور <i>pBAD</i> تحت القای قند آرابینوز با اثر بر روی پروموتور ژن آنزیم RNA پلی‌مراز T7 که سبب تنظیم بیان آن می‌شود.	کنترل دوگانه برای بیان پروتئین نو ترکیب دارای سمیت در سلول میزبان
BL21-AI<gp2>	مشتقی از BL21-AI که در آن کنترل سیستم بیانی تنها با استفاده از یک ماده‌ی القاکننده که می‌تواند آرابینوز یا IPTG باشد، انجام می‌شود.	بیان پروتئین‌های نو ترکیب دارای سمیت برای میزبان
Tuner (DE3)	ژن مربوط به لاکتوز پرمه‌آز در آن جهش داده شده و مولکولهای IPTG فقط به صورت وابسته به غلظت و نه به شکل انتقال فعال در باکتری‌های	القای یکنواخت بیان پروتئین نو ترکیب برای کاهش سمیت آن در سلول میزبان

	میزبان وارد شده و عمل القا به صورت یکنواخت انجام می شود.	
برطرف کردن مساله انحراف کدونی در باکتری / اشرشیاکلی جهت افزایش بیان پروتئین نو ترکیب	ژن مربوط به tRNA های حامل کدون های کمیاب در باکتری، شامل اسید آمینه های آرژینین (AGG/AGA)، پرولین (CCC)، لوسین (CUA) و ایزولوسین (AUA) بر روی پلاسمید pRI(P)L	BL21-Codon Plus (DE3)-RI(P)L
		Rosetta (DE3)
برطرف کردن مساله انحراف کدونی در باکتری برای افزایش بیان پروتئین نو ترکیب هدف	در این سویه ژن های tRNA های حامل کدون های اسید آمینه های گلیسین (GGA)، پرولین (CCC)، آرژینین (AGG/AGA/CGG)، ایزولوسین (AUA) و لوسین (CUA) بر روی پلاسمید pRARE2 حمل می شود.	Rosetta 2(DE3)
با بیان پروتئین نو ترکیب، tRNA آن هم تامین شده و باکتری با کمبود ظرفیت بیانی مواجه نمی شود.	ژن مربوط به شش tRNA ای دارای فراوانی کم در یک اپرون ریبوزومی در کروموزوم اشرشیاکلی BL21 (DE3) وارد شده است.	SixPack
اکسایشی شدن بیشتر محیط سیتوپلاسم و ایجاد شرایط برای تشکیل پیوندهای دی سولفیدی در سیتوپلاسم میزبان	ژن های مربوط به دو آنزیم ردوکتاز با نام های <i>trxB</i> و <i>gor</i> با ایجاد جهش از کار افتاده اند. اکسایشی شدن بیشتر محیط سیتوپلاسم می شود و بدین ترتیب شرایط برای تشکیل پیوندهای دی سولفیدی فراهم می شود.	origami
افزایش شکل گیری صحیح پیوندهای دی سولفیدی در سیتوپلاسم باکتری میزبان	وارد کردن ژنی که مربوط به آنزیم DsbC (یک ایزومراز پیوند دی سولفیدی) است علاوه بر ناکار کردن ژن های <i>trxB</i> و <i>gor</i>	Shuffle T7 Express
تشکیل فعال پیوندهای صحیح دی سولفیدی و فولد شدن صحیح پروتئین نو ترکیب و بیان بالاتر آن	وارد کردن ژن های <i>Erv1p</i> مربوط به آنزیم سولفیدریل اکسیداز ساکارومیسس سرویزیه و ژن مربوط به آنزیم دی سولفید ایزومراز بر روی یک پلاسمید	CyDisCo
رفع مساله انحراف کدونی و تشکیل پیوند دی سولفیدی	مجموع ویژگی های سویه ی Rosetta و Origami	RosettaGami (DE3)
انجام صحیح فرایند فولدینگ پروتئین نو ترکیب	بیان همزمان دو چاپرونین باکتری سرمادوست <i>Oleispira antarctica</i> به نام های Cpn10 و Cpn60 با پروتئین نو ترکیب	ArcticExpress
سازگاری با وکتورهای بیانی تحت کنترل پروموتور T7 مانند pCAL و pET	بیان همزمان دو چاپرونین باکتری سرمادوست <i>Oleispira antarctica</i> به نام های Cpn10 و Cpn60 با پروتئین نو ترکیب	ArcticExpress (DE3)
ترشح مقدار مناسبی از هورمون رشد (۳۰ میلی گرم در لیتر) در فضای پری پلاسمی باکتری	پروموتور قوی و قابل القای ptac در بالادست اپرون <i>tatABCD</i> سویه ی BL21 قرار داده شده است.	TatExpress BL21
ایجاد قابلیت تولید همزمان چند پروتئین نو ترکیب در یک میزبان	ژن های مربوط به ۱۲ ژن تنظیمی در ژنوم باکتری های DH10B، MG1655 و BL21 کلون شده است.	Marionette



سیستم‌های بیانی القایی که در آنها ژن مورد نظر تحت کنترل پرموتر T7 RNA پلی مرز بیان می شود، در محیط کشت‌های پیچیده به علت وجود لاکتوز در محیط، دچار بیان زودهنگام و ناخواسته قبل از افزودن ماده القا کننده می‌شوند. بیان پروتئین مورد نظر قبل از افزودن ماده القا

مهمترین مشتق سویه B/شرشیاکلی (DE3) BL21 است که در سال ۱۹۸۶ میلادی توسط اشتودیر و موفات با استفاده از وارد کردن ژن rRNA پلی‌مراز باکتریوفاژ T7 در کروموزوم باکتری / شرشیاکلی به دست آمد که علاوه بر این که تا کنون اهمیت و کاربرد خود را حفظ کرده سویه‌های متنوع دیگری نیز از آن مشتق شده‌اند. در این

کننده به عنوان بیان پایه شناخته می شود. یکی از مشکلات سویه ی BL21(DE3) جایگزین شدن سویه های ضعیف بیانی یا بدون پلاسمید در مقیاس بالای بیان در فرمانتور به علت وجود بیان پایه ی پروتئین هدف قبل از القا است که با راه حل ارائه شده از سوی خود اشتودیر با استفاده از محیط کشت خود القایی قابل حل می باشد [۱۱]. به علاوه، وقتی میزان زیادی از پروتئین نوترکیب توسط اشرشیاکلی در فرمانتور تولید می شود، میزان اسیدینه محیط کشت به علت تولید ناخواسته اسید استیک توسط باکتری بالا می رود. اسیدی شدن محیط کشت سبب از بین رفتن سریع تر باکتری ها و خروج آنها از مسیر بیان پروتئین نوترکیب می شود. یکی از کارهایی که برای برطرف نمودن این مساله انجام شده، کاهش بیان آنزیم های مسیر ساخت اسید استیک در اشرشیاکلی می باشد که با استفاده از تکنولوژی RNA آنتی سنس مورد دست ورزی قرار گرفته است [۱۲، ۱۳]. کاهش بیان آنزیم RNA پلی مرز T7 با استفاده از مقادیر کم لیزوزیم T7 در سویه ی BL21 pLysS (DE3) راه حل دیگری برای این موضوع است. این سویه دارای پلاسمید pLysS می باشد که ژن مقاومت به کلرامفنیکل را با خود حمل می کند [۱۴]. دو سویه ی C41(DE3) و C43(DE3) هم سویه هایی مشتق از BL21(DE3) هستند که جهش های تصادفی در ژن *lacI* در آنها سبب کاهش بیان RNA پلی مرز T7 شده و در مورد پروتئین های نوترکیبی که اثر سمیت بر روی سلول میزبان دارند قابل استفاده هستند. در این دو سویه می توان از وکتورهای بیانی که بر پایه ی اپراتور *lac* هستند و از پروموتور T7 یا *tac* برای بیان پروتئین نوترکیب استفاده می کنند، بهره برد. به علاوه در این سویه ها، با استفاده از غلظت های مختلف ماده ی القا کننده ی بیان رامنوز که برخلاف ماده ی القا کننده ی IPTG، میزان ورود آن از محیط کشت به داخل سلول باکتری وابسته به غلظت^۳

می باشد، می توان میزان بیان پروتئین نوترکیب را تنظیم کرد [۱۵]. این دو سویه توسط شرکت lucigen عرضه و تجاری سازی شده اند. با استفاده از همین استراتژی یعنی غربالگری ژنتیکی گروه دیگری در سال ۲۰۱۷ به سویه ی از BL21(DE3) دست یافتند که بازدهی بهتری برای بیان پروتئین های غشایی که اکثرا برای اشرشیاکلی سمیت ایجاد می کنند، از خود نشان داد. این سویه که تحت عنوان Mutant56(DE3) نامیده شد دارای یک جهش منفرد در یکی از اسیدهای آمینه ژن RNA پلی مرز T7 می باشد که اتصال آن را به پروموتور T7 تضعیف می کند [۱۶].

در سال ۲۰۱۸، در آزمایشگاه دیکسون، ازدیاد و تجمع پروتئین نوترکیب ترشعی ساخته شده در داخل باکتری جهت خروج از غشای سیتوپلاسمی و ترشح به فضای پری پلاسمی آن، منجر به بازگشت ناخواسته ی پروتئین های جمع شده در فضای پری پلاسمی به داخل سیتوپلاسم می شد. به منظور جلوگیری از این مساله، در بخش غیر ترجمه شونده ی انتهای^۴ ژن RNA پلی مرز T7 و بالادست^۵ ژن نوترکیب هدف، در پلاسمید pETORS، بخش تنظیمی ریبونوکلوئیک اسیدی با مکانیسم عمل روشن و خاموش^۶ قرار داده شد. این سویه که با عنوان RiboTite نامیده شده است، دارای ویژگی بیان کنترل شده ژن نوترکیب هدف می باشد [۱۷].

در گزارش دیگری که در سال ۲۰۲۱ ارائه شده، با جایگزین کردن پروموتور PlacUV5 با پروموتور آرابینوز (ParaBAD) در باکتری BL21(DE3)، هم به میزان بیشتر زیست توده ی باکتری^۷ و هم به مقدار بالاتر بیان پروتئین نوترکیب دست یافته شده است. این سویه ی دست ورزی شده ی جدید، Bl21(DE3::ara) نامیده شده است [۱۸]. کاهش بیان پروتئین هدف با قرار دادن مکانی برای اتصال lac repressor بلافاصله بعد از پروموتور T7 و استفاده از پروموتور های قابل القای دیگر برای کنترل بیان RNA

^۶ On and off^۷ Biomass^۳ Concentration dependent^۴ Untranslated 5' region^۵ Upstream

در مورد سویه‌هایی که بیان پروتئین نوترکیب در آنها به وسیله IPTG القا می‌شود، شرایط متفاوت است؛ زیرا مولکول‌های IPTG به دو شکل وارد سلول می‌شوند. یکی به صورت انتقال فعال به وسیله پروتئین غشایی لاکتوز پرمه‌آز^۹ و دیگری مسیرهای غیروابسته به پرمه‌آز که مساله وابستگی بیان به غلظت ماده‌ی القا کننده را در این سویه‌ها کم رنگ و بی اثر می‌کند. بنابراین، در سویه‌ای به نام Tuner (DE3) و مشتقات آن، که به وسیله شرکت نواژن^{۱۰} که در حال حاضر در گروه شرکت‌های چند ملیتی آلمانی مرک^{۱۱} ادغام شده، عرضه شده است؛ ژن مربوط به پروتئین لاکتوز پرمه‌آز با ایجاد جهش، غیرفعال شده و مولکول‌های IPTG فقط به صورت وابسته به غلظت در باکتری مذکور وارد شده و عمل القای بیان، به صورت یکنواخت انجام می‌شود [۲۲].

۴- سویه‌های مهندسی شده جهت رفع مشکل انحراف کدونی^{۱۲} در میزبان

برای هر اسید آمینه طبیعی چند کدون مختلف در طبیعت وجود دارد که در هر موجود زنده استفاده از یک یا دو تا از این کدون‌ها، نسبت به بقیه، دارای ارجحیت می‌باشد. از طرفی، این کدون‌های ترجیحی لزوماً در میزبان انتخاب شده برای بیان پروتئین نوترکیب (در این جا باکتری اشرشیاکلی) با موجود اولیه و اصلی تولید کننده‌ی آن پروتئین به صورت طبیعی، یکسان نمی‌باشند. در حال حاضر، برای رفع این مشکل، سویه‌هایی از مهندسی اشرشیاکلی BL21 ساخته شده‌اند که مساله انحراف کدون را برطرف ساخته‌اند. از این جمله سویه‌های BL21-Codon Plus (DE3)-RI(P)L، Rosetta (DE3) و مشتقات آن می‌باشند که به ترتیب دارای پلاسمید pRI(P)L و pRARE بوده و از این طریق کپی‌های اضافی از ژن‌های tRNA های کمیاب را در سیستم بیانی BL21 ایجاد می‌کنند. در سویه‌ی BL21-Codon Plus (DE3)-RI(P)L

پلی‌مراز T7 که بیان پایه کمتری دارند مانند پروموتور pBAD از راه حل‌های دیگری هستند که برای حل این مساله وجود دارند. به عنوان مثال، سویه‌ی Lemo21 (DE3) که مشابه سویه‌ی pLysS (DE3) BL21 است تنها با این تفاوت که در این سویه ژن *lysY* که مسئول تولید لیروزیم T7 می‌باشد تحت کنترل یک پروموتور قابل تنظیم به نام *rhaP_{BAD}* قرار گرفته است. در این حالت، با افزایش قند رامنوز در محیط، میزان تولید لیروزیم T7 بالا رفته و در نتیجه آن RNA پلی‌مراز T7 کمتری در محیط برای بیان پروتئین نوترکیب وجود خواهد داشت [۱۹]. در سویه‌ی دیگری به نام BL21-AI که توسط شرکت آمریکایی ترموفیشر ساینتیفیک^۸ تجاری‌سازی شده است، قند آرابینوز پروموتور pBAD را القا کرده و با اثر بر روی پروموتور ژن آنزیم RNA پلی‌مراز T7، سبب تنظیم بیان آن می‌شود. به این ترتیب، مقدار بیان پروتئین نوترکیب که به وسیله‌ی ماده‌ی IPTG القا می‌شود، برای بار دوم تنظیم می‌شود [۲۰]. با این که اطلاعات ساخت این سویه از سوی شرکت سازنده منتشر نشده است اما این سویه از باکتری اشرشیاکلی BL21 مشتق شده و انتظار می‌رود جز در ژن *araB*، در مورد لوکوس مربوط به RNA پلی‌مراز T7 و مارکر مقاومت به تتراسایکلین بین این دو مشابهت وجود داشته باشد [۱، ۲۱]. اخیراً سویه‌ی دیگری از سویه BL21-AI مشتق شده است که برای رسیدن به این هدف قادر است با مجزا سازی مسیر تولید پروتئین نوترکیب و مسیر رشد باکتری از هم، منابع غذایی را مجدداً وارد چرخه‌ی مصرف کند. این کار در سال ۲۰۲۱ توسط استارگارت و همکارانش با استفاده از فناوری enGenes-X-press انجام شد و در سویه‌ی حاصل که به نام BL21-AI<gp2> نامگذاری شد، کنترل سیستم بیانی تنها با استفاده از یک ماده‌ی القاکننده که می‌تواند آرابینوز یا IPTG باشد، در سطح سلولی انجام می‌شود [۲۰].

^{۱۱} Merck group

^{۱۲} Codon bias

^۸ Thermos Fisher Scientific

^۹ Lactose permease

^{۱۰} Novagen

ژن مربوط به tRNAهای حامل کدون های کمیاب در باکتری، شامل اسید آمینه های آرژینین (AGG/AGA)، پرولین (CCC)، لوسین (CUA) و ایزولوسین (AUA) بر روی پلاسמיד pRI(P)L حمل می شود. در سویه ی Rosetta 2 (DE3) این ژن ها شامل tRNAهای حامل کدون های اسید آمینه های گلیسین (GGA)، پرولین (CCC)، آرژینین (AGG/AGA/CGG)، ایزولوسین (AUA) و لوسین (CUA) است که بر روی پلاسמיד pRARE2 حمل می شود [۲۳]. اخیراً لیپینزکی و همکارانش ژن مربوط به شش tRNA دارای فراوانی کم را در یک اپرون ریپوزومی در کروموزوم /شرشیاکلی BL21 (DE3) وارد کرد. به این ترتیب، به موازات بیان پروتئین نو ترکیب، tRNAی آن هم تامین شده و باکتری با کمبود ظرفیت بیانی مواجه نمی شود. این سویه که به تنهایی دارای قابلیت بیان پروتئین نو ترکیب سویه های BL21 (DE3) و Rostta2 (DE3) می باشد، SixPack نام گرفته و به صورت تجاری نیز به فروش می رسد [۲۴].

۵- سویه های مهندسی شده برای بیان پروتئین های

نو ترکیب دارای پیوندهای دی سولفیدی

ایجاد پیوند دی سولفید در سیتوپلاسم سویه بیانی /شرشیاکلی یکی دیگر از قابلیت هایی است که با دست ورزی سویه های مادر ایجاد شده است تا بتوان از میزان باکتری برای بیان پروتئین های دارای واحدهای متعدد سیستئین و پیوند دی سولفید استفاده کرد. از جمله سویه های بیانی ایجاد شده به این منظور می توان به سویه origami و مشتقاتش، سویه ی Shuffle T7 Express و مشتقاتش و نیز سویه ی CyDisCo اشاره کرد [۲۵-۲۹]. در سویه های Origami و Shuffle ژن های مربوط به دو آنزیم ردوکتاز با نام های *trxB* و *gor* با ایجاد جهش از کار افتاده اند که این موضوع سبب اکسایشی شدن بیشتر محیط سیتوپلاسم می شود و بدین ترتیب شرایط برای تشکیل پیوندهای دی سولفیدی فراهم می شود. در سویه ی Shuffle علاوه بر ایجاد جهش در ژن های ذکر شده، ژن

دیگری که مربوط به آنزیم *DsbC* (یک ایزومراز پیوند دی سولفیدی) است نیز وارد شده است که سبب افزایش شکل گیری صحیح پیوندهای دی سولفید می شود. اما در سویه ی CyDisCo بدون دستکاری آنزیم های مسیر احیا کننده، ژن *Erv1p* مربوط به آنزیم سولفیدریل اکسیداز مخمر ساکارومیسس سرویزیه و ژن آنزیم دی سولفید ایزومراز بر روی یک پلاسמיד قرار داده شده اند. این پلاسמיד که، با همه سویه های /شرشیاکلی سازگاری دارد؛ می تواند به تشکیل فعال پیوندهای صحیح دی سولفیدی و فولد شدن درست پروتئین نو ترکیب و متعاقب آن بیان بالاتر پروتئین فعال کمک کند. این سویه در دانشگاه اولو در کشور فنلاند ساخته شده و قابل خریداری می باشد [۲۹]. قابل ذکر است که سویه ای به نام Rosetta-gami (DE3) هم در حال حاضر به صورت تجاری توسط شرکت نواژن موجود می باشد که مجموع ویژگی های سویه ی Rosetta و Origami را دارد؛ به این معنی که از یک سو مساله انحراف کدونی و از سوی دیگر مشکل شکل گیری پیوندهای دی سولفیدی در آن به مقدار زیادی حل شده است.

۶- سویه های مهندسی شده جهت تولید پروتئین

نو ترکیب محلول

با توجه به این که بیان بالای پروتئین نو ترکیب در باکتری سبب در هم پیچیدن ساختارهای ناصحیح و توده ای شدن آن می شود، ایجاد سویه های /شرشیاکلی با قابلیت تولید پروتئین محلول اهمیت ویژه ای دارد. زیرا، اجسام توده ای حاصل با اینکه قابل خالص سازی هستند اما برگرداندن ساختار صحیح به پروتئین هایی که فاقد ساختار سوم بوده و مانند کلاف در هم پیچیده اند کار آسانی نیست. به ویژه، رسیدن به پروتئین دارای عملکرد از گلوگاه های تولید پروتئین نو ترکیب در باکتری /شرشیاکلی است که دستیابی به آن مستلزم صرف زمان و انجام استراتژی های مختلف برای بازسرشت شدن درست پروتئین بیان شده می باشد.

نظر به صورت سلول مستعد سازی شده توسط شرکت آمریکایی اچیلنت^{۱۴} به فروش می‌رسد [۳۱،۳۰]. TatExpress BL21 سویه‌ی دست‌ورزی شده دیگری از BL21 است که در آن پروموتور قوی و قابل القای *ptac* در بالادست اپرون *tatABCD* قرار داده شده است. نتیجه‌ی حاصل ترشح مقدار مناسبی از هورمون رشد (۳۰ میلی گرم در لیتر) در فضای پری‌پلاسمی باکتری مذکور بود [۳۲].

۷- سویه‌های مهندسی شده جهت تولید همزمان و قابل کنترل چند پروتئین نو ترکیب

یکی از دست‌ورزی‌های انجام شده بر روی باکتری /شرشیاکلی ایجاد قابلیت بیان همزمان چند پروتئین نو ترکیب در یک میزبان است. در این سویه که تحت عنوان Marionette نام گرفته و توسط شرکت آمریکایی ادژن^{۱۵} عرضه می‌شود، ژن‌های مربوط به ۱۲ ژن تنظیمی در ژنوم باکتری‌های DH10B، MG1655 و BL21 کلون شده است که برخی به صورت تنظیم منفی ژن‌های هدف و برخی دیگر به شکل مثبت این تنظیم را انجام می‌دهند. در این سویه تا ۱۲ ژن قابل جای گذاری در پلاسمید بیانی خواهد بود [۳۳].

۸- جمع بندی

هم اکنون با سویه‌های مختلفی از باکتری /شرشیاکلی مهندسی شده روبرو هستیم که کار را برای تهیه پروتئین های مورد نظر به شکل نو ترکیب آسان تر کرده اند. سویه‌هایی که هر کدام مشکلی را که دیگر متعلق به گذشته هستند با خود نداشته و می‌توانند حجم و تنوع بیشتری از پروتئین‌ها را برای فعالان این حوزه تولید کنند. به ویژه، با پیشرفت علوم و علاقه رو به رشد دانشمندان رشته زیست فناوری برای ایجاد تغییر در ساختار پروتئین‌های طبیعی و تولید پروتئین‌های جدید با فعالیت متفاوت از پروتئین اصلی؛ ایجاد این سویه‌های دست‌ورزی

یکی از راه حل‌های متداول برای حل این مساله، بیان پروتئین در دمای پایین می‌باشد که با کاهش بیان سبب ایجاد زمان بیشتر برای فولد شدن صحیح پروتئین می‌شود. اما این روش پاسخ گوی خوبی برای رفع مساله تولید پروتئین‌های واسرشته و غیرفعال در باکتری نبوده و علت آن نیز به کاهش عملکرد مولکول‌های چاپرونین^{۱۳} /شرشیاکلی در دماهای پایین باز می‌گردد. با توجه به نقش مهم چاپرونین‌ها در تصحیح ساختارهایی از پروتئین نو ترکیب بیان شده در باکتری، که به شکل نادرست فولد شده‌اند؛ وقتی دمای بیان از ۳۰ درجه سانتی‌گراد که دمای بهینه‌ی عملکرد کمپلکس چاپرونینی GroEL/ES می‌باشد، به دمای ۱۲ درجه‌ی سانتی‌گراد کاهش پیدا می‌کند، تنها ۳۰ درصد از فعالیت چاپرونین حفظ می‌شود. در واقع پایین آوردن دما برای کاهش بیان و به دنبال آن ایجاد ساختار صحیح در پروتئین، با کاهش عملکرد چاپرونین های باکتری بی اثر می‌شود. برای حل این مساله، سویه‌ی جدیدی مهندسی شده است به نام ArcticExpress که در آن از دو چاپرونین باکتری سرمادوست *Oleispira antarctica* به نام‌های Cpn10 و Cpn60 استفاده شده است که دارای فعالیت بالا در دمای ۴ تا ۱۲ درجه سانتی‌گراد هستند. این دو چاپرونین که به ترتیب دارای ۷۴ و ۵۴ درصد مشابهت توالی اسید آمینه‌ای با GroEL و GroES /شرشیاکلی هستند همزمان با پروتئین نو ترکیب هدف بیان شده و باعث انجام فرایند پردازش صحیح آن می‌شوند.

این سویه با وکتورهای بیانی بر اساس پروموتورهای *lac*، *tac* و *trc* سازگار بوده و در صورتی که به صورت ArcticExpress (DE3) باشد با وکتورهای بیانی تحت کنترل پروموتور T7 مانند وکتورهای pET و pCAL برای بیان پروتئین نو ترکیب به کار می‌رود که در هر دو حالت، الفاکر مورد استفاده ماده‌ی IPTG می‌باشد. سویه‌ی مورد

¹⁵ Addgene

¹³ Chaperonins

¹⁴ Agilent

[8] Mairhofer J, Kreml PM, Thallinger GG, Striedner G. Finished Genome Sequence of *Escherichia coli* K-12 Strain HMS174 (ATCC 47011). *Genome Announcements*. 2014; 2(6): e00975-14. doi:10.1128/genomeA.00975-14.

[9] Mahalik S, Sharma AK, Mukherjee KJ. Genome engineering for improved recombinant protein expression in *Escherichia coli*. *Microbial Cell Factories*. 2014;13(1):1-13.

[10] Studier FW, Moffatt BA. Use of bacteriophage T7 RNA polymerase to direct selective high-level expression of cloned genes. *Journal of molecular biology*. 1986;189(1):113-30.

[11] Studier FW. Protein production by auto-induction in high-density shaking cultures. *Protein expression and purification*. 2005;41(1):207-34.

[12] Bakhtiari N, Mirshahi M, Babaeipour V, Maghsoudi N, Tahzibi A. Down regulation of *ackA-pta* pathway in *Escherichia coli* BL21 (DE3): a step toward optimized recombinant protein expression system. *Jundishapur journal of microbiology*. 2014;7(2)

[13] Bakhtiari N, Mirshahi M, Babaeipour V, Maghsoudi N. Inhibition of *ackA* and *pta* genes using two specific antisense RNAs reduced acetate accumulation in batch fermentation of *E. coli* BL21 (DE3). *Iranian Journal of Biotechnology*. 2010;8(4):243-51.

[14] Dubendorf JW, Studier FW. Controlling basal expression in an inducible T7 expression system by blocking the target T7 promoter with *lac* repressor. *Journal of molecular biology*. 1991;219(1):45-59.

[15] Kim SK, Lee D-H, Kim OC, Kim JF, Yoon SH. Tunable control of an *Escherichia coli* expression system for the overproduction of membrane proteins by titrated expression of a mutant *lac* repressor. *ACS synthetic biology*. 2017;6(9):1766-73.

[16] Baumgarten T, Schlegel S, Wagner S, Löw M, Eriksson J, Bonde I, et al. Isolation and characterization of the *E. coli* membrane protein production strain Mutant56 (DE3). *Scientific reports*. 2017;7(1):1-14.

[17] Horga LG, Halliwell S, Castiñeiras TS, Wyre C, Matos CF, Yovcheva DS, et al. Tuning recombinant protein expression to match secretion capacity. *Microbial Cell Factories*. 2018;17(1):1-18.

شده بسیار کمک کننده بوده است. اما اینجا آخر راه نیست و قطعاً سویه‌های جدیدتر/شرشیاکلی با ویژگی‌های متفاوت‌تر به این عرصه وارد خواهند شد. به علاوه، باکتری‌های دیگری از جمله باسیلوس‌ها نیز به این زمینه از علوم در شاخه‌های مختلف از جمله زیست‌فناوری دارویی، غذایی، کشاورزی، محیط زیست و انرژی پیوسته اند که در جای خود قابل توجه و پراهمیت بوده و افق روشنتری را ترسیم می‌کنند.

۹- منابع

[1] Rosano GL, Morales ES, Ceccarelli EA. New tools for recombinant protein production in *Escherichia coli*: A 5- year update. *Protein science*. 2019;28(8):1412-22.

[2] Escherich T. The intestinal bacteria of the neonate and breast-fed infant. 1884. *Rev Infect Dis*. 1988 Nov-Dec;10(6):1220-5. doi: 10.1093/clinids/10.6.1220. PMID: 3060950.

[3] Sonnenborn U. *Escherichia coli* strain Nissle 1917-from bench to bedside and back: History of a special *Escherichia coli* strain with probiotic properties. *FEMS Microbiology Letters*. 2016;363(19): fnw212. DOI: 10.1093/femsle/fnw212

[4] Studier FW, Daegelen P, Lenski RE, Maslov S, Kim JF . Understanding the Differences between Genome Sequences of *Escherichia coli* B Strains REL606 and BL21(DE3) and Comparison of the *E. coli* B and K-12 Genomes. *Journal of Molecular Biology*. 2009;394:653-680.

[5] Yoon SH, Han M-J, Jeong H, Lee CH, Xia X-X, Lee D-H, et al. Comparative multi-omics systems analysis of *Escherichia coli* strains B and K-12. *Genome biology*. 2012;13(5):1-13.

[6] Monk JM, Koza A, Campodonico MA, Machado D, Seoane JM, Palsson BO, et al. Multi-omics quantification of species variation of *Escherichia coli* links molecular features with strain phenotypes. *Cell systems*. 2016;3(3):238-51. e12.

[7] Castiñeiras TS, Williams SG, Hitchcock AG, Smith DG .*E. coli* strain engineering for the production of advanced biopharmaceutical products. *FEMS Microbiology Letters*. 2018; 365(15)

essential for efficient disulfide bond formation in the cytoplasm of *E. coli*. *Microbial cell factories*. 2010;9(1):1-9.

[27] Nguyen VD, Hatahet F, Salo KE, Enlund E, Zhang C, Ruddock LW. Pre-expression of a sulfhydryl oxidase significantly increases the yields of eukaryotic disulfide bond containing proteins expressed in the cytoplasm of *E. coli*. *Microbial cell factories*. 2011;10(1):1-13.

[28] Ruddock LO, FI, inventor; University of Oulu (Oulu, FI), assignee. Method for producing natively folded proteins in a prokaryotic host. 2016.

[29] Ruddock L. CyDisCo - Tool for producing disulphide bonded proteins in bacteria. Finland: University of Oulu; 2016.

[30] Ferrer M, Chernikova TN, Yakimov MM, Golyshin PN, Timmis KN. Chaperonins govern growth of *Escherichia coli* at low temperatures. *Nature biotechnology*. 2003;7-1266:(11)21;

[31] Ferrer M, Lünsdorf H, Chernikova TN, Yakimov M, Timmis KN, Golyshin PN. Functional consequences of single: double ring transitions in chaperonins: life in the cold. *Molecular microbiology*. 2004;53(1):167-82.

[32] Browning DF, Richards KL, Peswani AR, Roobol J, Busby SJ, Robinson C. *Escherichia coli* "TatExpress" strains super- secrete human growth hormone into the bacterial periplasm by the Tat pathway. *Biotechnology and bioengineering*. 2017;114(12):2828-36.

[33] Meyer AJ, Segall-Shapiro TH, Glassey E, Zhang J, Voigt CA. *Escherichia coli* "Marionette" strains with 12 highly optimized small-molecule sensors. *Nature chemical biology*. 2019;15(2):196-204.

[18] Du F, Liu Y-Q, Xu Y-S, Li Z-J, Wang Y-Z, Zhang Z-X, et al. Regulating the T7 RNA polymerase expression in *E. coli* BL21 (DE3) to provide more host options for recombinant protein production. *Microbial cell factories*. 2021;20(1):1-10.

[19] Wagner S, Klepsch MM, Schlegel S, Appel A, Draheim R, Tarry M, et al. Tuning *Escherichia coli* for membrane protein overexpression. *Proceedings of the National Academy of Sciences*. 2008;105(38):14371-6.

[20] Stargardt P, Striedner G, Mairhofer J. Tunable expression rate control of a growth-decoupled T7 expression system by L-arabinose only. *Microbial cell factories*. 2021;20(1):1-17.

[21] Bhawsinghka N, Glenn KF, Schaaper RM. Complete genome sequence of *Escherichia coli* BL21-AI. *Microbiology Resource Announcements*. 2020;9(10):e00009-20.

[22] Khlebnikov A, Keasling JD. Effect of lacY Expression on Homogeneity of Induction from the Ptac and Ptrc Promoters by Natural and Synthetic Inducers. *Biotechnology progress*. 2002;18(3):672-4.

[23] Novy R. Overcoming the codon bias of *E. coli* for enhanced protein expression. *Innovations*. 2001;12:1-3.

[24] Lipinszki Z, Vernyik V, Farago N, Sari T, Puskas LG, Blattner FR, et al. Enhancing the translational capacity of *E. coli* by resolving the codon bias. *ACS synthetic biology*. 2018;7(11):2656-64.

[25] Rosano GL, Ceccarelli EA. Recombinant protein expression in *Escherichia coli*: advances and challenges. *Frontiers in microbiology*. 2014;5:172.

[26] Hatahet F, Nguyen VD, Salo KE, Ruddock LW. Disruption of reducing pathways is not

***Escherichia Coli*: the most useful host for production of recombinant proteins**

Nahid Bakhtiari^{1*}, Mohsen Vaez¹

1- Assistant professor, Department of Biotechnology, Iranian Research Organization for Science and Technology (IROST), Tehran, Iran

nbakhtiari@irost.org

Receipt: 2022/08/23

Accepted: 2023/03/16

Abstract

One of the most important hosts used for production of recombinant proteins is *Escherichia Coli*. For example, the most therapeutic proteins approved by FDA are produced in *Escherichia Coli*. Comprehensive knowledge about biologic nature of *Escherichia Coli* had made this microorganism to a favorable factory for production of recombinant proteins. Accessibility of this information have led to rational manipulation for changing of this small factory to intelligent system can make different recombinant proteins easier. So that, many engineered and useful strains were obtained from wild type and parental strains can produce high amount of diverse and stable recombinant proteins in lab and industrial scale. In this review, we will present some of these strains that are more widely used.

Keywords: *Escherichia Coli*, recombinant protein, host